

LISTE DE SEQUENCES

<110> I.N.S.E.R.M.

<120> Moyens pour la régulation de la différenciation
hématopoïétique

<130> 1113

<140>

<141>

<160> 8

<170> PatentIn Ver. 2.1

<210> 1

<211> 21

<212> ADN

<213> Artificial Sequence

<220>

<223> Description de la séquence artificielle:
primer_bind

<220>

<223> Description of Artificial Sequence: primer_bind

<400> 1

catgacaagg cctgcgtccg a

21

<210> 2

<211> 21

<212> ADN

<213> Séquence artificielle

<220>

<223> Description de la séquence artificielle:
primer_bind

<400> 2

gcgcgtccca cctgtagaac a

21

<210> 3

<211> 33

<212> ADN

<213> Séquence artificielle

<220>

<223> Description de la séquence
artificielle:primer_bind

<400> 3

ttggacacac tgcagctgga cgtcgccgac ttt

33

<210> 4

<211> 33

<212> ADN

<213> Séquence artificielle

<220>

<223> Description de la séquence
artificielle:primer_bind

<400> 4

attgcagagc cagggctggg gagcagtcac agt

33

<210> 5

<211> 23

<212> ADN

<213> Séquence artificielle

<220>

<223> Description de la séquence
artificielle:primer_bind

<400> 5

tcagcaagaa ctgcaacaac agc

23

<210> 6

<211> 20

<212> ADN

<213> Séquence artificielle

<220>

<223> Description de la séquence
artificielle:primer_bind

<400> 6

gtgaggaaga tccagggcga

20

<210> 7
 <211> 270
 <212> ADN
 <213> Homo sapiens

<400> 7
 acctctgcctc gtgcgcgtga gcctggcgca gatcgatttg aatataacct gccgctttgc 60
 aggtgtattc cagctggaga aaaatggctg ctacagcctc tctcgacgg aggcgcgtga 120
 cctctgcaag gctttcaata gcacctggcc cacaatggcc cagatggaga aagctctgag 180
 catcgatttt gagacctgca ggtatgggtt catagaaggg catgtggtga tccccggat 240
 ccacccaac tccatctgtg cagcaacaa 270

<210> 8
 <211> 90
 <212> PRT
 <213> Homo sapiens

<400> 8
 Leu Cys Leu Val Pro Leu Ser Leu Ala Gln Ile Asp Leu Asn Ile Thr
 1 5 10 15
 Cys Arg Phe Ala Gly Val Phe His Val Glu Lys Asn Gly Arg Tyr Ser
 20 25 30
 Ile Ser Arg Thr Glu Ala Ala Asp Leu Cys Lys Ala Phe Asn Ser Thr
 35 40 45
 Leu Pro Thr Met Ala Gln Met Glu Lys Ala Leu Ser Ile Gly Phe Glu
 50 55 60
 Thr Cys Arg Tyr Gly Phe Ile Glu Gly His Val Val Ile Pro Arg Ile
 65 70 75 80
 His Pro Asn Ser Ile Cys Ala Ala Asn Asn
 85 90